

## RESUMEN

Autor Arbizu Berrocal, C.I.  
Autor corporativo Universidad Nacional Agraria La Molina, Lima (Peru). Facultad de Agronomia  
Título **Diversidad genética del loche (Cucurbita moschata Duchesne ex Lam.) cultivado en Lambayeque, Perú mediante marcadores microsatélites**  
Impreso Lima : UNALM, 2019

### Copias

Ubicación	Código	Estado
Sala Tesis	<u>F30. A73 - T</u>	USO EN SALA

Descripción 100 p. : 6 fig., 12 tablas, 137 ref. Incluye CD ROM

Tesis Tesis (Ing Agr)

Bibliografía Facultad : Agronomía

Sumario Sumarios (En, Es)

Materia **CUCURBITA MOSCHATA**

**VARIEDADES**

**VARIACION GENETICA**

**BIODIVERSIDAD**

**MICROSATELITES**

**MARCADEROS GENETICOS**

**EVALUACION**

**COSTA**

**PERU**

**ZAPALLO LOCHE**

**REGION LAMBAYEQUE**

Nº estández PE2019000315 B / M EUVZ F30

La presente investigación contribuye al conocimiento de las relaciones genéticas entre los cultivares de loche (Cucurbita moschata) cultivados en Lambayeque, Perú. Noventa y ocho accesiones de loche cultivadas en Lambayeque y Amazonas, Perú, que representan la distribución geográfica del cultivo fueron tomadas de forma selectiva y aleatoria para estudios de diversidad genética mediante el uso de 21 marcadores microsatélites. Adicionalmente, se incluyeron 10 accesiones de C. pepo y C. maxima en este estudio para determinar su relación con el loche. Se detectaron un total de 85 bandas. La diversidad genética de Nei (0,10) indica que el loche cultivado en Lambayeque y Amazonas

tiene una baja diversidad genética. El análisis de los resultados de la varianza molecular demuestra que la diferencia genética entre el loche cultivado en Lambayeque y el Amazonas es pequeño. La propagación vegetativa mediante estacas y el cultivo del loche en una zona geográfica muy restringida explicaría la escasa diversidad del cultivo. Esto a su vez sugiere que la aparente variación observada en la forma del fruto puede explicarse por la mutación somática y / o factores ambientales.

## ABSTRACT

The current research contributes to the knowledge of genetic relationships among loche cultivars (*Cucurbita moschata*) cultivated in Lambayeque, Peru. Ninety eight accessions of loche grown in Lambayeque, and Amazonas, Peru representing the geographical distribution of the crop were selectively and randomly taken for genetic diversity studies by means of 21 Simple Sequence Repeats (SSRs) markers. Additionally 10 accessions of *C. pepo* and *C. maxima* were included in this study to determine their relationship with loche. A total of 85 bands were detected. Nei's genetic diversity (0.10) indicates that loche grown in Lambayeque and Amazonas has a low genetic diversity. Analysis of molecular variance results demonstrate genetic difference between loche cultivated in Lambayeque and Amazonas is little. Vegetative propagation by means of stem cuttings and cultivation in a very restricted geographical area would explain the rather low diversity of the crop. This in turn would suggest that the apparent variation observed in fruit shape may be explained by somatic mutation and/or environmental factors.